

①9 RÉPUBLIQUE FRANÇAISE
INSTITUT NATIONAL
DE LA PROPRIÉTÉ INDUSTRIELLE
PARIS

①1 N° de publication :
(à n'utiliser que pour les
commandes de reproduction)

2 744 730

②1 N° d'enregistrement national : 96 01565

⑤1 Int Cl⁶ : C 12 N 15/12, C 12 N 15/70, 15/74, 15/79, 5/10,
C 12 P 21/00, A 61 K 48/00, 38/18, C 07 K 14/47, 16/00

DEMANDE DE BREVET D'INVENTION

A1

①2

②2 Date de dépôt : 08.02.96.

③0 Priorité :

④3 Date de la mise à disposition du public de la
demande : 14.08.97 Bulletin 97/33.

⑤6 Liste des documents cités dans le rapport de
recherche préliminaire : *Se reporter à la fin du
présent fascicule.*

⑥0 Références à d'autres documents nationaux
apparentés :

⑦1 Demandeur(s) : CENTRE NATIONAL DE LA
RECHERCHE SCIENTIFIQUE CNRS ETABLIS
PUBLIC A CARACT SCIENT ET TECH — FR.

⑦2 Inventeur(s) : LESAGE FLORIAN, GUILLEMARE
ERIC, FINK MICHEL, DUPRAT FABRICE,
LAZDUNSKI MICHEL, ROMEY GEORGES et
BARHANIN JACQUES.

⑦3 Titulaire(s) :

⑦4 Mandataire : BREESE MAJEROWICZ.

⑤4 NOUVELLE FAMILLE DE CANAUX POTASSIUM DE MAMMIFERE, LEUR CLONAGE ET LEUR UTILISATION
NOTAMMENT POUR LE CRIBLAGE DE DROGUES.

⑤7 La présente invention concerne le clonage d'un mem-
bre d'un nouveau canal potassium dénommé TWIK-1. Elle
concerne plus particulièrement, une molécule d'acide nu-
cléique isolée et purifiée codant pour une protéine consti-
tuant un canal potassium présentant des propriétés et une
structure du type de celles du canal TWIK-1 ainsi que la
protéine codée par cette molécule d'acide nucléique.

L'invention concerne également l'utilisation de cette mo-
lécule d'acide nucléique pour transformer des cellules, et la
mise en oeuvre de ces cellules exprimant des canaux po-
tassium présentant des propriétés et une structure du type
de celles du canal TWIK-1 pour le criblage de drogues.

FR 2 744 730 - A1



NOUVELLE FAMILLE DE CANAUX POTASSIUM DE
MAMMIFÈRE, LEUR CLONAGE ET LEUR UTILISATION NOTAMMENT POUR
LE CRIBLAGE DE DROGUES.

La présente invention concerne une nouvelle famille de canaux potassium. Elle concerne plus particulièrement le clonage d'un canal potassium humain qui constitue le premier membre d'un nouveau groupe fonctionnel et structurel de canaux potassium. L'abondance de ce canal et sa présence dans un grand nombre de tissus sont de nature à lui conférer un rôle primordial dans le transport du potassium chez un grand nombre de types cellulaires.

Les canaux potassium sont ubiquitaires chez les cellules eucaryotes et procaryotes. Leur exceptionnelle diversité fonctionnelle en font des candidats idéals pour un grand nombre de processus biologiques dans les cellules vivantes (Rudy, B., 1988, *Neurosciences*, 25, 729-749 ; Hille, B., 1992, *"Ionic Channels of Excitable Membrane"*, 2nd edn, Sinauer, Sunderland, Massachusetts). Chez les cellules excitables, les canaux K^+ définissent la forme des potentiels d'action et la fréquence de l'activité électrique, et joue un rôle majeur dans l'intégration neuronale, la contraction musculaire ou la sécrétion hormonale. Chez les cellules non-excitables, leur expression semble être corrélée à des stades spécifiques du développement de la cellule (Barres, B. A. et al., 1990, *Annu. Rev. Neurosci.*, 13, 441-474). Chez la plupart des cellules, des types particuliers de canaux K^+ jouent un rôle vital pour déterminer le potentiel électrique de la membrane au repos en réglant la perméabilité membranaire aux ions K^+ . Ces canaux

présentent la particularité d'être instantanés et ouverts dans un large gamme de potentiels membranaires.

Des travaux de clonage récents ont permis d'identifier un grand nombre de sous-unités capables de former de canaux potassium (Betz, H., 1990, *Biochemistry*, 29, 3591-3599 ; Pngs, O., 1992, *Physiol. Rev.*, 72, S69-88 ; Salkoff, L. et al., 1992, *Trends Neurosci.*, 15, 161-166 ; Jan, L. Y. and Y. N. Jan, 1994, *Nature*, 371, 119-122 ; Doupnik, C. A. et al., 1995, *Curr. Opin. Neurobiol.*, 5, 268-277) qui pourraient être régulés par d'autres types de sous-unités (Aldrich, R. W., 1994, *Curr. Biol.*, 4, 839-840 ; Isom, L. L. et al., 1994, *Neuron*, 12, 1183-1194 ; Rettig, J. et al., 1994, *Nature*, 369, 289-294 ; Attali, B. et al., 1995, *Proc. Natl. Acad. Sci. USA*, 92, 6092-6096).

Les sous-unités des canaux K^+ voltage-dépendants activés par dépolarisation (familles Kv) et des canaux K^+ calcium-dépendant présentent six domaines transmembranaires hydrophobes, dont l'un (S4) contient des charges positives répétées qui confèrent à ces canaux leur sensibilité au voltage et en conséquence dans leur rectification sortante fonctionnelle (Logothetis, D. E. et al., 1992, *Neuron*, 8, 531-540 ; Bezanilla, F. et Stefani, E., 1994, *Annu. Rev. Biophys. Biomol. Struct.*, 23, 819-846).

Les canaux K^+ avec une rectification entrante (Familles Kir) ont seulement deux domaines transmembranaires. Ils ne possèdent pas le segment S4 et la rectification entrante résulte d'un blocage voltage-dépendant par le magnésium cytoplasmique (Matsuda, H., 1991, *Annu. Rev. Physiol.*, 53, 289-298 ; Lu, Z. et Mackinnon, R., 1994, *Nature*, 371, 243-246 ; Nichols, C. G. et al., 1994, *J. Physiol. London*, 476, 399-409).

Un motif structural commun, dénommé domaine P, est rencontré dans les deux groupes, et constitue un élément essentiel de la structure du pore perméable au K^+ .

La présence de ce motif dans une protéine membranaire est considéré comme la signature de la structure d'un canal K^+ (Pongs, O., 1993, *J. Membrane Biol.*, 136, 1-8 ; Heginbotham, L. et al., 1994, *Biophys. J.*, 66, 1061-1067 ; Mackinnon, R. 1995, *Neuron*, 14, 889-892 ; Pascual, J. M. et al., 1995, *Neuron*, 14, 1055-1063).

La présente invention est fondé sur le clonage d'un canal K^+ qui est le premier membre d'une nouveau groupe structurel et fonctionnel de canaux potassium. Ce nouveau canal K^+ a une nouvelle architecture moléculaire avec quatre segments trans-membranaire et deux domaine P. D'un point de vue fonctionnel, ce canal est remarquable en ce qu'il présente des propriétés de rectification entrante peu marquées. Ce nouveau canal est dénommé, dans ce qui suit, TWIK-1, pour désigner la terminologie anglaise "Tandem of P domains in a Weak Inward rectifying K^+ channel". Son abondance et sa présence dans un grand nombre de tissus sont de nature à lui conférer un rôle primordial dans le transport du potassium chez un grand nombre de types cellulaires.

La mise en évidence de cette nouvelle famille de canaux potassium et le clonage d'un membre de cette famille permet notamment de disposer de nouveaux moyens de criblages de drogues capables de moduler l'activité de ces nouveaux canaux potassium et donc de prévenir ou traiter des maladies impliquant ces canaux.

Le travail de recherche ayant mené au clonage du canal TWIK-1 a été conduit de la manière décrite ci-après, où il sera fait référence aux séquences et dessins en annexe dans lesquels :

- SEQ ID NO : 1 représente la séquence la séquence nucléotidique de l'ADNc de TWIK-1 et la séquences en acides aminés de la séquence codante.

- SEQ ID NO : 2 représente la séquence en acides aminés de la protéine TWIK-1.

- La figure 1 représente l'analyse en Northern blot, les séquences en nucléotides et la séquence déduite en acides aminés, ainsi que le profile d'hydrophobicité de TWIK-1. (a) : expression de l'ARNm de TWIK-1 dans des tissus humains; chaque voie contient 5 µg de poly(A)⁺; l'autoradiogramme a été exposé 24 heures. (b) : séquence de l'ADNc de TWIK-1 et la séquences en acides aminés de la séquence codante. Les segments supposés trans-membranaires sont encadrés et les domaines P sont soulignés; o, représente un site potentiel de glycosilation, et ■ représente le résidu thréonine dans le site consensus de reconnaissance de la protéine kinase C. (c) : l'analyse d'hydrophobicité et la topologie de TWIK-1 qui en est déduite; les valeurs d'hydrophobicité ont été calculées conformément à la méthode de Kyte et Doolittle (taille de la fenêtre de 11 acides aminés) et sont rapportées vis-à-vis de la position de l'acide aminé; les pics hydrophobes ombrés correspondent aux segments trans-membranaires.

- La figure 2 représente les alignements de séquences. (a) : alignement des domaines P de TWIK-1, TOC/YORK, et d'autres familles de canaux K⁺ représentatives; les résidus identiques et conservés sont encadrés respectivement en noir et en gris. (b) : alignement de TWIK-1 avec des homologues potentiels de *C. elegans*; les séquences M110.2 et F17C8.5 ont été déduites des séquences des gènes (numéros d'accès respectifs Z49968 et Z35719); l'épissage informatisé des autres séquences génomique de *C. elegans* (numéros d'accès Z49889, P34411 et Z22180) n'est pas suffisamment précis pour permettre leur alignement parfait et n'est donc pas représenté.

- La figure 3 montre les propriétés biophysiques et pharmacologiques de courants K⁺

enregistrés par la technique de voltage-imposé sur des oocytes de *Xenopus* ayant reçus une injection d'ARNc de TWIK-1; (a) : l'oocyte a été maintenu à un potentiel de maintien (HP) de -80 mV et les courants ont été enregistrés à la suite de sauts de voltage de 1-s de -120 à + 60 mV par incrément de 20 mV. (b) : relation régulière courant-voltage, selon la même expérience qu'en (a). (c) : renversement de potentiel des courants de TWIK-1 (E_{rev}) en fonction de la concentration externe en K^+ . (d) : traces de courants liées à des dépolarisations de +30 mV à partir d'un potentiel maintenu (HP) de -80 mV en l'absence (trace supérieur) et en présence (trace inférieur) de 1 mM de Ba^{2+} . (e) : effet bloquant de 100 μ M de quinine, même protocole qu'en (d). (f) : relation dose-réponse du blocage des courants de TWIK-1 par la quinine.

- La figure 4 montre l'influence de l'expression de TWIK-1 sur le potentiel membranaire. (a) : relations dose-réponse de l'ARNc; rangé du haut = état d'équilibre des courants sortants mesurés à +30 mV; rangée du bas = potentiels membranaires associés au repos. (b) : effet de 100 μ M de quinine sur le potentiel membranaire d'un oocyte n'ayant pas reçu d'injection (trace de gauche) et d'un oocyte ayant reçu 20 ng d'ARNc de TWIK-1. (c) : traitement statistique des effets dépolarisants de 100 μ M de quinine sur des oocytes n'ayant pas reçus d'injection (barres de gauche) et sur des oocytes ayant reçus une injection de 20 ng d'ARNc de TWIK-1 (barres de droite); contrôle (barre ouverte), + quinine (barres solides); chaque barre représente la moyenne \pm SD de 5 oocytes.

- La figure 5 montre les propriétés de de canal unique de TWIK-1. (a) : traces de courants enregistrées dans la configuration entrée-sortie aux potentiels de membrane indiqués en l'absence (m) ou en présence (•) de Mg^{2+} interne (3 mM) et en symétrique de

140 mM de K^+ . (b) : moyenne des courbes I-V ($n = 10$).
 (c et d) : temps ouvert de distribution obtenues à + 80 mV (histogrammes du haut) et à -80mV (histogrammes du bas) en présence of 3 mM Mg^{2+} (c) ou en l'absence de Mg^{2+} (d).

- La figure 6 montre le blocage des canaux TWIK-1 par le pH interne. (a et b) : effet bloquant de l'acidification interne sur les courants TWIK-1, induite par perfusion de CO_2 ; (a) : traces de courants superimposés provoqués par une phase de dépolarisation à -30 mV à partir de HP = -80 mV, contrôle (trace supérieure), effet quand l'équilibre est atteint en présence de CO_2 (trace inférieure); (b) : graphe ($n = 5$) montrant le blocage presque complet des courants de TWIK-1 induit par du CO_2 ; (c et d) : acidification interne induite par l'application de DNP (1 mM). (c) : même protocole qu'en (a), contrôle (trace supérieure) et après 5 minutes d'application du DNP (trace inférieure); (d) : graphe ($n = 4$) indiquant le pourcentage de courant TWIK-1 restant après traitement par le DNP. (e et f) : voltage imposé (mode : patch attaché) dans des conditions symétriques de concentration en K^+ (140 mM) maintenu à +80 mV. (e) déroulement dans le temps de l'effet de 1 mM de DNP (fléché) sur les activités de canal unique de TWIK-1. (f) : graphe ($n = 4$) montrant l'effet du DNP sur la probabilité moyenne d'ouverture NP_o calculé pendant 1 minute d'enregistrement à partir de l'état d'équilibre. (g) : activités mesurées dans la configuration "patch-inside-out" à + 80 mV à différent pH interne. Graphe de barres ($n = 10$) de NP_o en fonction du pH interne.

- La figure 7 montre l'activation des canaux TWIK-1 par le PMA, activateur de la protéine kinase C. (a) : perfusion pendant 10 minutes de PMA (30 nM) augmente le courant TWIK-1 (trace supérieure) provoqué par une phase de dépolarisation à +30 mV à partir de HP = -80 mV, courant de contrôle (trace inférieure). (b) graphe ($n = 5$)

montrant l'effet d'activation du PMA sur les courants TWIK-1. (c et d) : configuration "patch" attaché en conditions de concentrations en K^+ symétriques maintenu à +60 mV; (c) : déroulement dans le temps de l'effet de 30 nM de PMA sur les activités de canal unique; les enregistrements de l'activité du canal sont effectués avec un balayage rapide avant et après l'application du PMA; (d) : graphe de barres ($n = 5$) montrant l'effet d'activation du PMA sur NP_Q .

Les domaines P de canaux K^+ ont été utilisés pour rechercher de séquences correspondantes dans la banque de données GenBank en mettant en oeuvre le programme d'alignement de séquence BLAST (Altschul, S. F., et al., 1990, *J. Mol. Biol.*, 215, 403-410). Il a été ainsi identifié une séquence exprimée Tag humaine (EST, HSC3AH031) de 298 pb dont la séquence déduite en acides aminés comprend une séquence de domaine "P-like" non conventionnelle : GLG au lieu de GYG comme montré à la figure 2a. Il a été envisagé alors que cette séquence EST était une copie partielle d'un ARNm codant un nouveau type de sous-unité de canal K^+ . Une sonde d'ADN a été préparée à partir de cette séquence afin de réaliser une hybridation avec un Northern blot (Clontech) de tissus multiples humains. Un transcrit de 1,9 kb a ainsi été abondamment trouvé, comme montre à la figure 1a, dans le coeur et le cerveau et, à un niveau moindre, dans le placenta, le poumon, le foie et le rein. La sonde d'ADN a été utilisée pour cribler une banque d'ADNc de rein et quatre clones indépendants ont été obtenus. Les inserts d'ADNc de 1,8 à 1,9 kb de ces clones comportent tous le même cadre de lecture ouvert (ORF) contenant une région identique à la séquence de 298 pb de HSC3AH031 et différent seulement par la longueur de leurs séquences 5' non codantes.

Structure primaire de TWIK-1.

Les caractéristiques suivantes ont été mise en évidence :

- Les séquences des clones d'ADNc contiennent un ORF de 1011 nucléotides codant pour un polypeptide de 336 acides aminés représenté à la figure 1b.
- Cette protéine comporte deux domaines P.
- En dehors des domaines P, aucun alignement significatif n'a été observé entre TWIK-1 et un canal K⁺ récemment cloné chez la levure et qui comporte également deux domaines P (Ketchum, K. A. et al, 1995, Nature, 376, 690-695).
- L'analyse d'hydrophobicité de TWIK-1, représenté à la figure 1c, révèle la présence de quatre domaines trans-membranaires, désignés T1 à T4.
- En plaçant l'extrémité NH₂ sur la face cytoplasmique, conformément à l'absence de peptide signal, on obtient le modèle de topologie représenté à la figure 1c.
- Dans ce modèle, les deux domaines P sont insérés dans la membrane depuis l'extérieur conformément à l'orientation connue de ces boucles dans les canaux K⁺.
- En outre, le motif structural général de TWIK-1 est similaire au motif que l'on obtiendrait en faisant un tandem de deux sous-unités classiques rectifiant l'entrée d'un canal potassium. Comme un rectificateur entrant classique, TWIK-1 ne présente pas le segment hautement conservé S4 qui est responsable de la sensibilité au potentiel de membrane de la rectification entrante des canaux K⁺ de la famille Kv.
- Une large boucle non habituelle de 59 acides aminés est présente entre M1 et P1, de manière à étendre la longueur du linker M1-P1 du côté extracellulaire de la membrane.

- Un site de N-glycosylation potentiel est présent dans cette boucle.

- Trois sites consensus de phosphorylation sont présents aux extrémités N-terminale (Ser 19 pour la calcium calmodulin kinase II) et C-terminale (Ser 303 pour la caséine kinase II) des domaines cytoplasmiques, et dans le linker M2-M3 (Thr161 pour la protéine kinase II).

- L'alignement des domaines P d'un groupe important de canaux K^+ est donné à la figure 2a. Il montre que les régions constituant le pore sélectif au K^+ sont bien conservées incluant le résidu G en position 16 et 18 et trois autres résidus indiquant des changements pratiquement exclusivement conservatifs aux positions 7, 14 et 17. De façon intéressante, un résidu leucine est présent à la place d'une tyrosine conservée en position 17 dans le domaine P2 de TWIK-1, ou d'un phénylalanine en position 17 dans le domaine P du canal K^+ de type eag.

Les homologues de TWIK-1.

La comparaison de la séquence complète de TWIK-1 avec des séquences de la base de données Genbank a permis d'identifier au moins cinq gènes de *Caenorhabditis elegans* qui ont été caractérisés dans le cadre du projet de Séquençage Nematode, et qui potentiellement code pour des homologues structuraux de TWIK-1. L'alignement de deux d'entre-eux avec TWIK-1 est représenté à la figure 2b. Les homologies de séquences totales entre les protéines déduites de *C. elegans* et TWIK-1 sont d'environ 55 à 60 % et environ 25 à 28 % d'identité. Les homologies entre séquences de *C. elegans* ne sont pas supérieures.

Expression fonctionnelle de TWIK-1.

Pour l'étude fonctionnelle, la séquence codante de TWIK-1 a été insérée entre les séquences non-codantes 5' et 3' de *Xenopus* globin dans le vecteur pEXO

(Lingueglia, E. et al., 1993, *J. Biol. Chem.*, 269, 13736-13739). Un ARN complémentaire (ARNc) a été transcrit de cette construction et injecté dans des oocytes de *X. laevis*. Un courant non-inactivant, absent des cellules non-injectées, a été mesuré par la technique de voltage imposé, comme représenté à la figure 3a. L'activation cinétique du courant est le plus souvent instantanée et ne peut pas être résolue car elle est masquée par la décharge capacitive du courant enregistré au début de l'impulsion. La relation courant-voltage est linéaire au-dessus de 0mV puis sature pour une dépolarisation plus forte de la membrane, comme montré à la figure 3b. TWIK-1 est donc K⁺ sélectif. Dans le cas d'une substitution du K⁺ externe par du Na⁺ ou par du N-méthyle D-gluconate, le renversement du potentiel des courants suit le potentiel d'équilibre K⁺ (E_K), comme représenté à la figure 3c. En outre, un changement par 10 de la concentration $[(K)]_o$ conduit à un changement de 56 ± 2 mV de la valeur d'inversion du potentiel, conformément à l'équation de Nernst.

Comme montré à la figure 3, les courants K⁺ de TWIK-1 sont inhibés par Ba²⁺ (figure 3d) avec une valeur IC₅₀ de 100 μ M, par la quinine (figure 3e et 3f) et par la quinidine (non représenté) avec des valeurs IC₅₀ respectivement de 50 et 95 μ M. Les courants TWIK-1 sont légèrement sensible au TEA et au tedisamil anti-arythmique de classe III (30 % d'inhibition pour chacun, respectivement à 10 mM et 100 μ M). Moins de 10 % d'inhibition ont été observés après application de 4-aminopyridine (1 mM), d'apamine (0,3 μ M), de charybdotoxine (3 nM), de dedrotoxine (0,1 μ M), de clofilium (30 μ M), d'amiodarone (100 μ M) et de glibenclamide (30 μ M). Le canal TWIK-1 n'est pas sensible aux ouvreurs de canal K⁺ que sont la cromakaline (100 μ M) et le pinacidil (100 μ M).

La figure 4 montre l'effet de l'augmentation des doses injectées d'ARNc de TWIK-1 sur l'expression indépendante du temps des courants K^+ et sur le repos du potentiel membranaire (E_m). Dès que le courant apparaît, les oocytes deviennent davantage polarisés, pour atteindre une valeur de E_m proche de E_K . L'amplitude du courant de TWIK-1 atteint des valeurs de 0,6 à 0,8 μA pour l'injection de 20 ng par oocyte. Des doses supérieures d'ARNc de TWIK-1 sont toxiques conduisant à une baisse de l'expression. Dans les oocytes ayant reçus 20 ng d'ARNc, la quinine qui est le meilleur bloquant de TWIK-1, induit une importante dépolarisation réversible (73 ± 6 mV, $n = 5$) comme montré aux figures 4 b et 4c.

Les propriétés unitaires du canal TWIK-1.

Les enregistrements de canal simple de courants, représentés à la figure 5, dans une configuration de patch de type "inside-out" ou dans une configuration de cellule entière montre que les canaux TWIK-1 assurent le passage de courants sortant ou entrant en fonction, respectivement, d'une dépolarisation ou d'une hyperpolarisation (figure 5a). La relation courant-voltage du canal unique, représentée à la figure 5b, montre une rectification entrante peu accentuée en présence de 3 mM (figure 5) et 10 mM (non représenté) de Mg^{2+} du côté cytoplasmique. Comme montré à la figure 5b, cette rectification disparaît en l'absence de Mg^{2+} interne. Dans 3 mM de Mg^{2+} interne, la durée moyenne d'ouverture à +80 mV est de 1,9 ms et la conductance unitaire de 19 ± 1 pS (figure 5c). A -80 mV, les canaux sont vacillants avec une durée moyenne d'ouverture de 0,3 ms, et une valeur de conductance en augmentation à 34 ± 4 pS. Le retrait des ions Mg^{2+} internes n'influence pas les paramètres cinétiques à la fois dans les conditions polarisées et dépolarisées, mais la conductance unitaire

mesurée à -80 mV atteint 35 ± 4 pS. Cette augmentation apparente de la conductance dans le canal unique suggère que c'est la vacillance extrêmement rapide induite par Mg^{2+} qui conduit à une sous-estimation de la valeur réelle de la conductance. Les mêmes propriétés ont été observées dans la configuration de cellule fixée montrant que le comportement du canal n'est pas modifié par une excision du patch. Les canaux TWIK-1 dans des patch excisés ne se décharge pas et semble pas nécessiter de constituants intra-cellulaires. Contrairement à de nombreux canaux qui nécessitent la présence d'ATP, pour leur activité dans la configuration de patch excisé, l'ATP n'est pas nécessaire à l'expression de TWIK-1. En outre, la perfusion du patch avec une solution contenant 10 mM d'ATP n'induit aucun effet sur l'activité du canal TWIK-1.

Les propriétés de régulation de l'activité du canal TWIK-1.

Le pH intracellulaire (Ph_i) est impliqué dans le contrôle de nombreux processus cellulaires, et dans des cellules comme les cellules hépatiques, les changements de Ph_i régulent le potentiel membranaire (Bear, C. E. et al., 1988, *Biochim. Biophys. Acta*, 944, 113-120).

L'acidification intracellulaire des oocytes a été obtenue selon deux méthodes :

- superfusion avec une solution enrichie en CO_2 qui produit une acidification par un mécanisme impliquant le système de transport de bicarbonate (Guillemare, E. et al., 1995, *Mol. Pharmacol.*, 47, 588-594);

- traitement avec le dinitrophénol (DNP), qui est un inhibiteur métabolique découplant le gradient de H^+ dans les mitochondries et qui induit une acidité interne (Pedersen, P. L. et Carafoli, E., 1987, *Trends Biol. Sci.*, 12, 146-189).

Ces deux expérimentations ont conduit à une réduction significative des courants de TWIK-1, supérieur à 95 % dans le cas de CO_2 et 80 % dans le cas du DNP, des valeurs de contrôle de l'amplitude, comme montré aux figures 6a à 6d. L'inhibition induite par le DNP sur l'activité du canal unique K^+ a encore été observée dans des conditions de patch attaché, comme montré aux figures 6e à 6f. Toutefois, après excision du patch, l'activité du canal devient insensible à l'acidification de la solution interne obtenue, soit en modifiant le rapport de tampon $\text{Na}_2\text{HPO}_4/\text{NaH}_2\text{PO}_4$ (figures 6g et 6h), soit par bouillonnement de CO_2 (non représenté). EN conséquence, l'effet du pH sur l'activité du canal TWIK-1 est probablement indirect.

La phosphorylation ou la déphosphorylation de résidus d'acide aminés spécifiques est un important mécanisme de régulation des canaux ioniques (Levitan, I. B., 1994, *Annu. Rev. Physiol.*, 56, 193-212). Comme montré à la figure 7, l'activation de la protéine kinase C par le phorbol-12 myristate acétate (PMA, 30 nM) augmente les courants de TWIK-1. Le phorbol ester 4 α -phorbol-12, 13 didécanoate inactif (PDA, 1 μM) n'a aucun effet. Dans un patch attaché qui initialement exprimait uniquement un canal, l'application du PMA la présence d'au moins cinq canaux (figures 7c et 7d). Cette expérience montre que au moins quatre canaux sont présents mais silencieux dans ce patch avant l'application de PMA. Du fait que la séquence de TWIK-1 contient un site de phosphorylation consensus pour la protéine kinase C (PKC), localisé au niveau de la thréonine en position 161 (figure 1b), l'effet du PMA laisse supposer une régulation sous le contrôle de PKC. Toutefois, la mutation de la thréonine 161 en alanine conduit à un canal muté qui demeure fonctionnel et conserve la capacité d'être activé par le PMA.

L'activation de la protéine kinase A par application de 8-Cl-AMPC (300 μ M) ou de forskolin (10 μ M) n'affecte pas l'activité de TWIK-1. L'élévation de la concentration en Ca^{2+} cytoplasmique par application de A23187 (1 μ M), qui pourrait avoir activé la Ca^{2+} -calmoduline kinase II et/ou révélé la présence d'un canal activé par le Ca^{2+} , est aussi sans effet sur les propriétés du canal TWIK-1.

La présente invention a donc pour objet une molécule d'acide nucléique isolée et purifiée codant pour une protéine constituant un canal potassium TWIK-1 ou présentant des propriétés et une structure du type de celles du canal TWIK-1 décrite ci-dessus.

Plus particulièrement, ladite molécule d'acide nucléique code pour la protéine TWIK-1 dont la séquence en acides aminés est représentée dans la liste de séquence en annexe sous le numéro SEQ ID NO:2, ou un dérivé fonctionnellement équivalent de cette séquence. De tels dérivés peuvent être obtenus en modifiant et/ou en supprimant un ou plusieurs résidus d'acides aminés de cette séquence, dès lors que cette modification et/ou suppression ne modifie pas les propriétés fonctionnelles de canal potassium TWIK-1 de la protéine en résultant.

La séquence d'une molécule d'ADN codant pour cette protéine est plus particulièrement celle codant pour TWIK-1 représentée dans la liste de séquence en annexe sous le numéro SEQ ID NO:1.

L'invention concerne également un vecteur comprenant une molécule d'acide nucléique précédente, ainsi qu'un procédé de production ou d'expression dans un hôte cellulaire d'une protéine constituant un canal potassium TWIK-1 ou un canal de la même famille que TWIK-1.

Un procédé de production d'une protéine constituant un canal potassium TWIK-1 ou présentant des propriétés et une structure du type de celles du canal TWIK-1 consiste :

- à transférer une molécule d'acide nucléique de l'invention ou un vecteur contenant ladite molécule dans un hôte cellulaire,

- à cultiver l'hôte cellulaire obtenu à l'étape précédente dans des conditions permettant la production de canaux potassium présentant les propriétés de TWIK-1,

- à isoler, par tous moyens appropriés les protéines constituant des canaux potassium de la famille de TWIK-1.

Un procédé d'expression d'un canal potassium TWIK-1 ou de la même famille que TWIK-1 consiste :

- à transférer une molécule d'acide nucléique de l'invention ou un vecteur contenant ladite molécule dans un hôte cellulaire,

- à cultiver l'hôte cellulaire obtenu à l'étape précédente dans des conditions permettant l'expression de canaux potassium de la famille de TWIK-1.

L'hôte cellulaire mis en oeuvre dans les procédés précédents peut être choisi parmi les procaryotes ou les eucaryotes et notamment parmi les bactéries, les levures, les cellules de mammifères, de plantes ou d'insectes.

Le vecteur utilisé est choisi en fonction de l'hôte dans lequel il sera transféré, il peut s'agir de tout vecteur comme un plasmide.

L'invention concerne donc aussi les cellules transformées exprimant des canaux potassium présentant des propriétés et une structure du type de celles du canal TWIK-1 obtenues conformément aux procédés précédents.

Les cellules exprimant des canaux potassium TWIK-1 ou des canaux présentant des propriétés et une structure du type de celles du canal TWIK-1 obtenues conformément aux procédés précédents, sont utiles pour le criblage de substances capables de moduler l'activité des canaux potassium TWIK-1. Ce criblage est effectué en mettant en contact des quantités variables d'une substance à tester avec des cellules exprimant le canal TWIK-1 ou des canaux potassium présentant des propriétés et une structure du type de celles du canal TWIK-1, puis en mesurant, par tous moyens appropriés, les effets éventuels de ladite substance sur les courants des canaux potassium de ces canaux.

Ce procédé de criblage permet d'identifier des drogues utiles dans le traitement des maladies du coeur ou du système nerveux. Des pathologies impliquant les canaux potassium et donc susceptible de concerner les canaux de la famille de TWIK-1 sont par exemple, l'épilepsie, les pathologies cardiaques (arythmies) et vasculaires, les neurodégénérescences particulièrement celles qui sont associées aux ischémies ou anoxies, les pathologies endocriniennes associées à des anomalies de sécrétion d'hormones, les pathologies musculaires.

Une molécule d'acide nucléique isolée et purifiée codant pour une protéine constituant un canal potassium TWIK-1 ou un vecteur comprenant cette molécule d'acide nucléique ou encore une cellule exprimant des canaux potassium TWIK-1, sont aussi utiles pour la préparation d'animaux transgéniques. Il peut s'agir d'animaux sur-exprimant lesdits canaux, mais surtout d'animaux dit "knock out", c'est à dire présentant une déficience en ces canaux; ces animaux transgéniques sont préparés par des méthodes connus de l'homme du métier, et permettent de disposer de modèles vivants pour l'étude de pathologies animales associées aux canaux TWIK-1.

Les molécules d'acide nucléique de l'invention ou les cellules transformées par ladite molécule sont en outre susceptibles d'être utilisées dans des stratégies de thérapie génique afin de compenser une déficience des canaux potassium au niveau de un ou plusieurs tissus d'un patient. L'invention concerne donc aussi un médicament comprenant des molécules d'acide nucléique de l'invention ou de cellules transformées par ladite molécule pour le traitement de pathologie impliquant les canaux potassium.

En outre, le gène du canal TWIK-1 a été situé sur le chromosome 1 en position q42-q43. La localisation chromosomique de ce gène constitue un résultat déterminant pour l'identification de maladies génétiques associées à cette nouvelle famille de canaux potassium; ainsi, la connaissance de la structure des canaux de la famille de TWIK-1 est de nature à permettre la réalisation d'un diagnostic ante-natal de telles maladies.

La présente invention a encore pour objet une nouvelle famille de canaux K^+ , à laquelle appartient TWIK-1, présents dans la plupart des tissus humains et plus particulièrement abondant dans le cerveau et le coeur, et présentant des propriétés et une structure du type de celles du canal TWIK-1 décrites ci-dessus. Elle concerne donc une protéine isolée et purifiée dont la séquence en acides aminés est représentée dans la liste de séquence en annexe sous le numéro SEQ ID NO:2, ou un dérivé fonctionnellement équivalent de cette séquence.

De tels dérivés peuvent être obtenus en modifiant et/ou en supprimant un ou plusieurs résidus d'acides aminés de cette séquence ou en segmentant cette séquence, dès lors que cette modification et/ou suppression ou délétion d'un fragment ne modifie pas les propriétés

fonctionnelles de canal potassium du type TWIK-1, de la protéine en résultant.

Une protéine constituant un canal potassium du type TWIK-1 est utile pour la fabrication de médicaments destinés à traiter ou prévenir des maladies impliquant un dysfonctionnement des canaux potassium.

Des anticorps poly ou mono-clonaux dirigés contre une protéine constituant un canal potassium du type TWIK-1 peuvent être préparés par les méthodes classiques décrites dans la littérature.

Ces anticorps sont utiles pour rechercher la présence de canaux potassium de la famille de TWIK-1 dans différents tissus humains ou animaux, mais ils peuvent aussi trouver des applications dans le domaine thérapeutique pour inhiber ou activer *in vivo*, grâce à leur spécificité, les canaux potassium du type TWIK-1.

D'autres avantages et caractéristiques de l'invention apparaîtront à la lecture des exemples qui suivent donnés à titre non limitatifs et concernant le clonage et l'expression de TWIK-1.

Identification de la séquence HSC3AH031 EST et analyse de l'ARN.

Les domaines P des canaux clonés ont été utilisés pour rechercher des homologues dans des bases de données du NCBI (National Center of Biotechnology) en mettant en oeuvre le programme d'alignement de séquences tBLASTn. La traduction d'une séquence EST (HSC3AH031, numéro d'accès Genbank : F12504) présentait une similarité de séquence significative ($P = 1,2 \times 10^{-3}$) avec le second domaine P d'un canal K^+ de levure. Cette séquence de 298 pb a été originellement obtenue à partir d'une banque d'ADNc de cerveau humain dans le cadre du

programme d'ADNc Genexpress (Auffray, C. et al., 1995, C. R. Acad. Sci., III, Sci. Vie, 318, 263-272). Un fragment d'ADN de 255 pb correspondant à HSC3AH031 a été amplifié par PCR à partir d'ADNc dérivés de poly(A)⁺ de cerveau humain et sous-cloné dans pBluescript (Stratagene) pour donner pBS-HSC3A.

Pour l'analyse d'ARN, un Northern blot de tissus humains multiples (Clontech) a été criblé avec l'insert de pBS-HSCA marqué au p³² dans 50 % de formamide, 5 x SSPE (0,9 M NaCl ; 50 mM phosphate de sodium ; pH 7,4 ; 5 mM EDTA), 0,1 % SDS, 5 x Denhardtts, 20 mM phosphate de potassium, pH 6,5 et 250 µg d'ADN de sperme de saumon dénaturé à 55 °C pendant 18 heures. Les blots ont été lavés jusqu'à une stringence finale de 0,1 SSC (3 M NaCl ; 0,3 M citrate de sodium ; pH 7,0), 0,3 % SDS à 65 °C.

Isolement du clone d'ADNC codant TWIK-1.

Une banque d'ADNc oligo(dT) issu d'ARN poly(A)⁺ isolés de rein d'humain adulte a été criblée avec l'insert de pBS-HSCA marqué au p³². Les filtres ont été hybridés dans 50 % formamide, 5 x SSC, 4 X Denhardt, 0,1 % SDS et 100 µg d'ADN de sperme de saumon dénaturé à 50 °C pendant 18 heures. Quatre clones d'hybridation positive ont été isolés d'environ 5 x 10⁵ clones. Les phages λZAPII contenant les inserts d'ADNc ont été convertis en plasmides d'ADNc (Stratagene). Les inserts d'ADNc ont été caractérisés en analyse par des enzymes de restriction et par séquençage total ou partiel d'ADN sur les deux brins par la méthode des nucléotide didéoxy mettant en oeuvre un séquenceur automatique (Applied Biosystems 373A).

Mutations, synthèse d'ARNc et injection d'oocyte.

La séquence codante de TWIK-1 a été amplifiée en utilisant une ADN polymérase à faible taux d'erreur (Pwo DNA pol, Boehringer) et sous-clonée dans le plasmide pEXO pour donner le pEXO-TWIK-1. Les mutations ont été réalisées en amplifiant le plasmide pEXO-TWIK-1 en entier avec un kit PCR d'extension hautement fidèle (Boehringer) et deux amorces adjacentes. L'un d'entre-eux a introduit une mutation ponctuelle dans la séquence codante de TWIK-1 changeant le codon de la Thr 161 en un codon pour l'alanine. Le produit de la PCR a été linéarisé par l'enzyme BamHI et les ARNc ont été synthétisés en utilisant une T7 ARN polymérase (Stratagene). La préparation des oocytes de *X. laevis* et l'injection d'ARNc ont été réalisées comme décrit dans la littérature (Guillemare, E. et al., 1992, *Biochemistry*, 31, 12463-12468).

Mesures électrophysiologiques.

Dans une chambre à perfusion de 0,3 ml, un seul oocyte a été empalé sur deux micro-électrodes de verre standards (0,5 - 2,0 MW) chargées avec 3 M KCl et maintenues sous voltage-clamp avec un amplificateur Dagan TEV200. La solution du bain contenait 98 mM KCl, 1,8 mM CaCl_2 , 2 mM MgCl_2 et 5 mM HEPES à pH 7,4 avec KOH. La stimulation de la préparation, l'acquisition des données et les analyses ont été réalisées avec le logiciel pClamp (Axon Instruments, USA).

Pour les expériences de patch-clamp, les oocytes ont été débarassés de leur membrane vitelline comme décrit dans la littérature (Duprat, F. et al., 1995, *Biochem. Biophys. Res. Commun.*, 212, 657-663) et placés dans une solution de bain contenant 140 mM KCl, 1,8 mM CaCl_2 , 2 mM MgCl_2 et 5 mM HEPES à pH 7,4 avec KOH. Les pipettes ont été remplies avec une solution forte de K^+ (40 mM KCL, 100 mM de sulphonate méthane de

potassium, 1,8 mM CaCl_2 , 2 mM MgCl_2 et 5 mM HEPES ajusté à pH 7,4 avec KOH). 100 μM de GdCl_3 ont été ajoutés à la solution de pipette pour inhiber l'action des canaux activés. Les patch "inside-out" ont été perfusés avec une solution contenant 140 mM KCL, 10 mM CaCl_2 , 5 mM HEPES ajusté à pH 7,2 avec KOH et 5 mM EGTA ajoutés journellement. Les signaux de canal unique ont été filtrés à 3,5 kHz et analysés avec le programme Biopatch (Bio-Logic, Grnoble, France)

LISTE DE SÉQUENCES.

INFORMATION CONCERNANT LA SEQ ID NO:1 :

I - CARACTERISTIQUE DE LA SEQUENCE :

A) LONGUEUR :

B) TYPE :

C) NOMBRE DE BRIN :

D) CONFIGURATION :

II - TYPE DE MOLECULE :

XI - DESCRIPTION DE SEQUENCE : SEQ ID NO:1 :

GGGCAGGAAG ACGGCGCTGC CCGGAGGAGC GGGGCGGGCG GGCGCGCGGG GGAGCGGGCG	60
CGCGGCGGGA GCCAGGCCCG GGCGGGGGCG GGGCGGGCGG GGCCAGAAGA GGCGGCGGGC	120
CGCGCTCCGG CCGGTCTGCG GCGTTGGCCT TGGCTTTGGC TTTGGCGGCG GCGGTGGAGA	180
AG ATG CTG CAG TCC CTG GCC GGC AGC TCG TGC GTG CGC CTG GTG GAG CGG	230
Met Leu Gln Ser Leu Ala Gly Ser Ser Cys Val Arg Leu Val Glu Arg	15
1 5 10	
CAC CGC TCG GCC TGG TGC TTC GGC TTC CTG GTG CTG GGC TAC TTG CTC	278
His Arg Ser Ala Trp Cys Phe Gly Phe Leu Val Leu Gly Tyr Leu Leu	30
20 25	
TAC CTG GTC TTC GGC GCA GTG GTC TTC TCC TCG GTG GAG CTG CCC TAT	326
Tyr Leu Val Phe Gly Ala Val Val Phe Ser Ser Val Glu Leu Pro Tyr	45
35 40	
GAG GAC CTG CTG CGC CAG GAG CTG CGC AAG CTG AAG CGA CGC TTC TTG	374
Glu Asp Leu Leu Arg Gln Glu Leu Arg Lys Leu Lys Arg Arg Phe Leu	60
50 55	
GAG GAG CAC GAG TGC CTG TCT GAG CAG CAG CTG GAG CAG TTC CTG GGC	422
Glu Glu His Glu Cys Leu Ser Glu Gln Gln Leu Glu Gln Phe Leu Gly	80
65 70 75	
CGG GTG CTG GAG GCC AGC AAC TAC GGC GTG TCG GTG CTC AGC AAC GCC	470
Arg Val Leu Glu Ala Ser Asn Tyr Gly Val Ser Val Leu Ser Asn Ala	95
85 90	
TCG GGC AAC TGG AAC TGG GAC TTC ACC TCC GCG CTC TTC TTC GCC AGC	518
Ser Gly Asn Trp Asn Trp Asp Phe Thr Ser Ala Leu Phe Phe Ala Ser	110
100 105	
ACC GTG CTC TCC ACC ACA GGT TAT GGC CAC ACC GTG CCC TTG TCA GAT	566
Thr Val Leu Ser Thr Thr Gly Tyr Gly His Thr Val Pro Leu Ser Asp	125
115 120	
GGA GGT AAG GCC TTC TGC ATC ATC TAC TCC GTC ATT GGC ATT CCC TTC	614
Gly Gly Lys Ala Phe Cys Ile Ile Tyr Ser Val Ile Gly Ile Pro Phe	140
130 135	

ACC CTC CTG TTC CTG ACG GCT GTG GTC CAG CGC ATC ACC GTG CAC GTC Thr Leu Leu Phe Leu Thr Ala Val Val Gln Arg Ile Thr Val His Val 145 150 155 160	662
ACC CGC AGG CCG GTC CTC TAC TTC CAC ATC CGC TGG GGC TTC TCC AAG Thr Arg Arg Pro Val Leu Tyr Phe His Ile Arg Trp Gly Phe Ser Lys 165 170 175	710
CAG GTG GTG GCC ATC GTC CAT GCC GTG CTC CTT GGG TTT GTC ACT GTG Gln Val Val Ala Ile Val His Ala Val Leu Leu Gly Phe Val Thr Val 180 185 190	758
TCC TGC TTC TTC TTC ATC CCG GCC GCT GTC TTC TCA GTC CTG GAG GAT Ser Cys Phe Phe Phe Ile Pro Ala Ala Val Phe Ser Val Leu Glu Asp 195 200 205	806
GAC TGG AAC TTC CTG GAA TCC TTT TAT TTT TGT TTT ATT TCC CTG AGC Asp Trp Asn Phe Leu Glu Ser Phe Tyr Phe Cys Phe Ile Ser Leu Ser 210 215 220	854
ACC ATT GGC CTG GGG GAT TAT GTG CCT GGG GAA GGC TAC AAT CAA AAA Thr Ile Gly Leu Gly Asp Tyr Val Pro Gly Glu Gly Tyr Asn Gln Lys 225 230 235 240	902
TTC AGA GAG CTC TAT AAG ATT GGG ATC ACG TGT TAC CTG CTA CTT GGC Phe Arg Glu Leu Tyr Lys Ile Gly Ile Thr Cys Tyr Leu Leu Leu Gly 245 250 255	950
CTT ATT GCC ATG TTG GTA GTT CTG GAA ACC TTC TGT GAA CTC CAT GAG Leu Ile Ala Met Leu Val Val Leu Glu Thr Phe Cys Glu Leu His Glu 260 265 270	998
CTG AAA AAA TTC AGA AAA ATG TTC TAT GTG AAG AAG GAC AAG GAC GAG Leu Lys Lys Phe Arg Lys Met Phe Tyr Val Lys Lys Asp Lys Asp Glu 275 280 285	1046
GAT CAG GTG CAC ATC ATA GAG CAT GAC CAA CTG TCC TTC TCC TCG ATC Asp Gln Val His Ile Ile Glu His Asp Gln Leu Ser Phe Ser Ser Ile 290 295 300	1094
ACA GAC CAG GCA GCT GGC ATG AAA GAG GAC CAG AAG CAA AAT GAG CCT Thr Asp Gln Ala Ala Gly Met Lys Glu Asp Gln Lys Gln Asn Glu Pro 305 310 315 320	1142
TTT GTG GCC ACC CAG TCA TCT GCC TGC GTG GAT GGC CCT GCA AAC CAT Phe Val Ala Thr Gln Ser Ser Ala Cys Val Asp Gly Pro Ala Asn His 325 330 336	1190
TGA GCGTAGGATT TGTTGCATTA TGCTAGAGCA CCAGGGTCAG GGTGCAAGGA *	1243
AGAGGCTTAA GTATGTTTCAAT TTTTATCAGA ATGCAAAAGC GAAAATTATG TCACTTTAAG	1303
AAATAGCTAC TGTTTGCAAT GTCTTATTAA AAAACAACAA AAAAAGACAC ATGGAACAAA	1363
GAAGCTGTGA CCCCAGCAGG ATGTCTAATA TGTGAGGAAA TGAGATGTCC ACCTAAAATT	1423

CATATGTGAC AAAATTATCT CGACCTTACA TAGGAGGAGA ATACTTGAAG CAGTATGCTG 1483
 CTGTGGTTAG AAGCAGATTT TATACTTTTA ACTGGAAACT TTGGGGTTTG CATTTAGATC 1543
 ATTTAGCTGA TGGCTAAATA GCAAAATTTA TATTTAGAAG CAAAAAAAAA AAGCATAGAG 1603
 ATGTGTTTTA TAAATAGGTT TATGTGTACT GGTTCATG TACCCACCCA AAATGATTAT 1663
 TTTTGAGAA TCTAAGTCAA ACTCACTATT TATAATGCAT AGGTAACCAT TAACTATGTA 1723
 CATATAAAGT ATAAATATGT TTATATTCTG TACATATGGT TTAGGTCACC AGATCCTAGT 1783
 GTAGTTCTGA AACTAAGACT ATAGATATTT TGTTCCTTTT GATTTCTCTT TATACTAAAG 1843
 AATCCAGAGT TGCTACAATA AAATAAGGGG AATAATAAAA AAAAAAAAAA A 1894

INFORMATION CONCERNANT LA SEQ ID NO :2

I - CARACTERISTIQUE DE LA SEQUENCE :

- A) LONGUEUR :
- B) TYPE :
- C) NOMBRE DE BRIN :
- D) CONFIGURATION :

II - TYPE DE MOLECULE :

XI - DESCRIPTION DE LA SEQUENCE : SEQ ID NO:2 :

Met Leu Gln Ser Leu Ala Gly Ser Ser Cys Val Arg Leu Val Glu Arg
 1 5 10 15
 His Arg Ser Ala Trp Cys Phe Gly Phe Leu Val Leu Gly Tyr Leu Leu
 20 25 30
 Tyr Leu Val Phe Gly Ala Val Val Phe Ser Ser Val Glu Leu Pro Tyr
 35 40 45
 Glu Asp Leu Leu Arg Gln Glu Leu Arg Lys Leu Lys Arg Arg Phe Leu
 50 55 60
 Glu Glu His Glu Cys Leu Ser Glu Gln Gln Leu Glu Gln Phe Leu Gly
 65 70 75 80
 Arg Val Leu Glu Ala Ser Asn Tyr Gly Val Ser Val Leu Ser Asn Ala
 85 90 95
 Ser Gly Asn Trp Asn Trp Asp Phe Thr Ser Ala Leu Phe Phe Ala Ser
 100 105 110
 Thr Val Leu Ser Thr Thr Gly Tyr Gly His Thr Val Pro Leu Ser Asp
 115 120 125
 Gly Gly Lys Ala Phe Cys Ile Ile Tyr Ser Val Ile Gly Ile Pro Phe
 130 135 140
 Thr Leu Leu Phe Leu Thr Ala Val Val Gln Arg Ile Thr Val His Val
 145 150 155 160

Thr Arg Arg Pro Val Leu Tyr Phe His Ile Arg Trp Gly Phe Ser Lys
 165 170 175
 Gln Val Val Ala Ile Val His Ala Val Leu Leu Gly Phe Val Thr Val
 180 185 190
 Ser Cys Phe Phe Phe Ile Pro Ala Ala Val Phe Ser Val Leu Glu Asp
 195 200 205
 Asp Trp Asn Phe Leu Glu Ser Phe Tyr Phe Cys Phe Ile Ser Leu Ser
 210 215 220
 Thr Ile Gly Leu Gly Asp Tyr Val Pro Gly Glu Gly Tyr Asn Gln Lys
 225 230 235 240
 Phe Arg Glu Leu Tyr Lys Ile Gly Ile Thr Cys Tyr Leu Leu Leu Gly
 245 250 255
 Leu Ile Ala Met Leu Val Val Leu Glu Thr Phe Cys Glu Leu His Glu
 260 265 270
 Leu Lys Lys Phe Arg Lys Met Phe Tyr Val Lys Lys Asp Lys Asp Glu
 275 280 285
 Asp Gln Val His Ile Ile Glu His Asp Gln Leu Ser Phe Ser Ser Ile
 290 300
 Thr Asp Gln Ala Ala Gly Met Lys Glu Asp Gln Lys Gln Asn Glu Pro
 305 310 315 320
 Phe Val Ala Thr Gln Ser Ser Ala Cys Val Asp Gly Pro Ala Asn His
 325 330 336

REVENDECATIONS

1) Molécule d'acide nucléique isolée et purifiée codant pour une protéine constituant un canal potassium présentant des propriétés et une structure du type de celles du canal TWIK-1.

2) Molécule d'acide nucléique isolée et purifiée codant pour une protéine constituant un canal potassium, caractérisée en ce quelle code pour la protéine dont la séquence en acides aminés est représentée dans la liste de séquence en annexe sous le numéro SEQ ID NO:2 ou un dérivé fonctionnellement équivalent de cette séquence.

3) Molécule d'acide nucléique selon la revendication 2, dont la séquence est représentée dans la liste de séquence en annexe sous le numéro SEQ ID NO:1.

4) Vecteur comprenant une molécule d'acide nucléique selon l'une quelconque des revendications 1 à 3.

5) Procédé de production d'une protéine constituant un canal potassium présentant des propriétés et une structure du type de celles du canal TWIK-1 consistant :

- à transférer une molécule d'acide nucléique selon l'une quelconque des revendications 1 à 3 ou un vecteur selon la revendication 4, dans un hôte cellulaire,

- à cultiver l'hôte cellulaire obtenu à l'étape précédente dans des conditions permettant la production de canaux potassium présentant les propriétés de TWIK-1,

- à isoler, par tous moyens appropriés les protéines constituant des canaux potassium présentant des

propriétés et une structure du type de celles du canal TWIK-1.

6) Procédé d'expression d'un canal potassium présentant des propriétés et une structure du type de celles du canal TWIK-1 consistant :

- à transférer une molécule d'acide nucléique selon l'une quelconque des revendications 1 à 3 ou un vecteur selon la revendication 4, dans un hôte cellulaire,

- à cultiver l'hôte cellulaire obtenu à l'étape précédente dans des conditions permettant l'expression de canaux potassium présentant des propriétés et une structure du type de celles du canal TWIK-1.

7) Procédé selon l'une quelconque des revendications 5 et 6, caractérisé en ce que l'hôte cellulaire est choisi parmi les procaryotes ou les eucaryotes et notamment parmi les bactéries, les levures, les cellules de mammifères, de plantes ou d'insectes.

8) Cellule exprimant des canaux potassium présentant des propriétés et une structure du type de celles du canal TWIK-1 obtenue par le procédé selon les revendications 6 ou 7.

9) Procédé de criblage de substances capables de moduler l'activité des canaux potassium du type du canal TWIK-1, caractérisé en ce que :

- l'on met en contact des quantités variables d'une substance à tester avec des cellules exprimant des canaux potassium présentant des propriétés et une structure du type de celles du canal TWIK-1 selon la revendication 8 , puis

- l'on mesure, par tous moyens appropriés, les effets éventuels de ladite substance sur les courants des canaux potassium présentant des propriétés et une structure du type de celles du canal TWIK-1.

10) Composition pharmaceutique pour compenser une déficience des canaux potassium au niveau de un ou plusieurs tissus, caractérisée en ce quelle comprend des molécules d'acide nucléique selon l'une quelconque des revendications 1 à 3, ou un vecteur selon la revendication 4, ou encore des cellules selon la revendication 8.

11) Protéine isolée et purifiée constituant un canal potassium présentant des propriétés et une structure du type de celles du canal TWIK-1.

12) Protéine selon la revendication 11 dont la séquence en acides aminés est représentée dans la liste de séquence en annexe sous le numéro SEQ ID NO:2, ou un dérivé fonctionnellement équivalent de cette séquence.

13) Composition pharmaceutique pour compenser une déficience des canaux potassium au niveau de un ou plusieurs tissus, caractérisée en ce quelle comprend une protéine selon l'une quelconque des revendications 11 et 12.

14) Anticorps monoclonal ou polyclonal dirigé contre une protéine selon l'une quelconque des revendications 11 et 12.

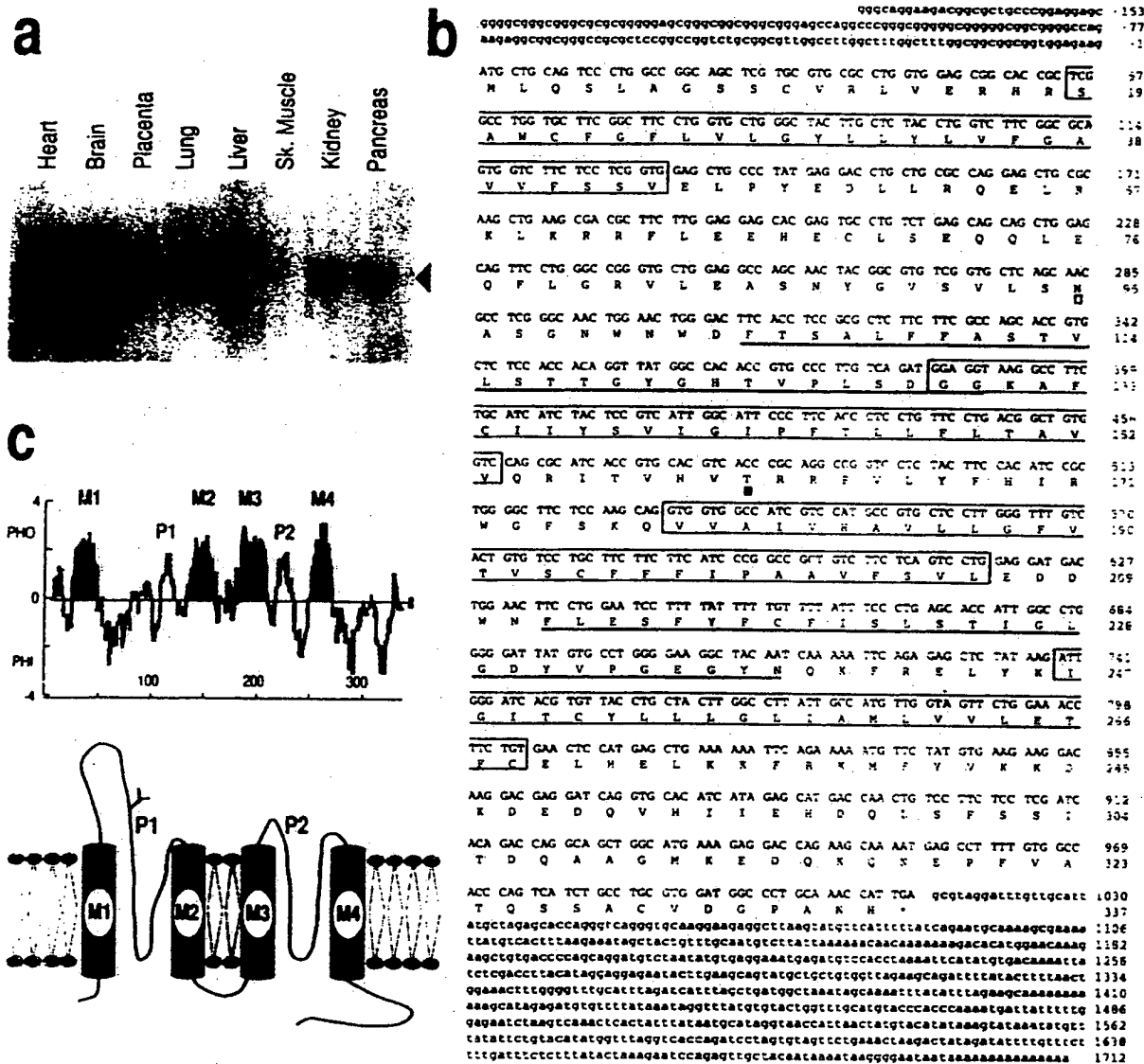


Fig. 2

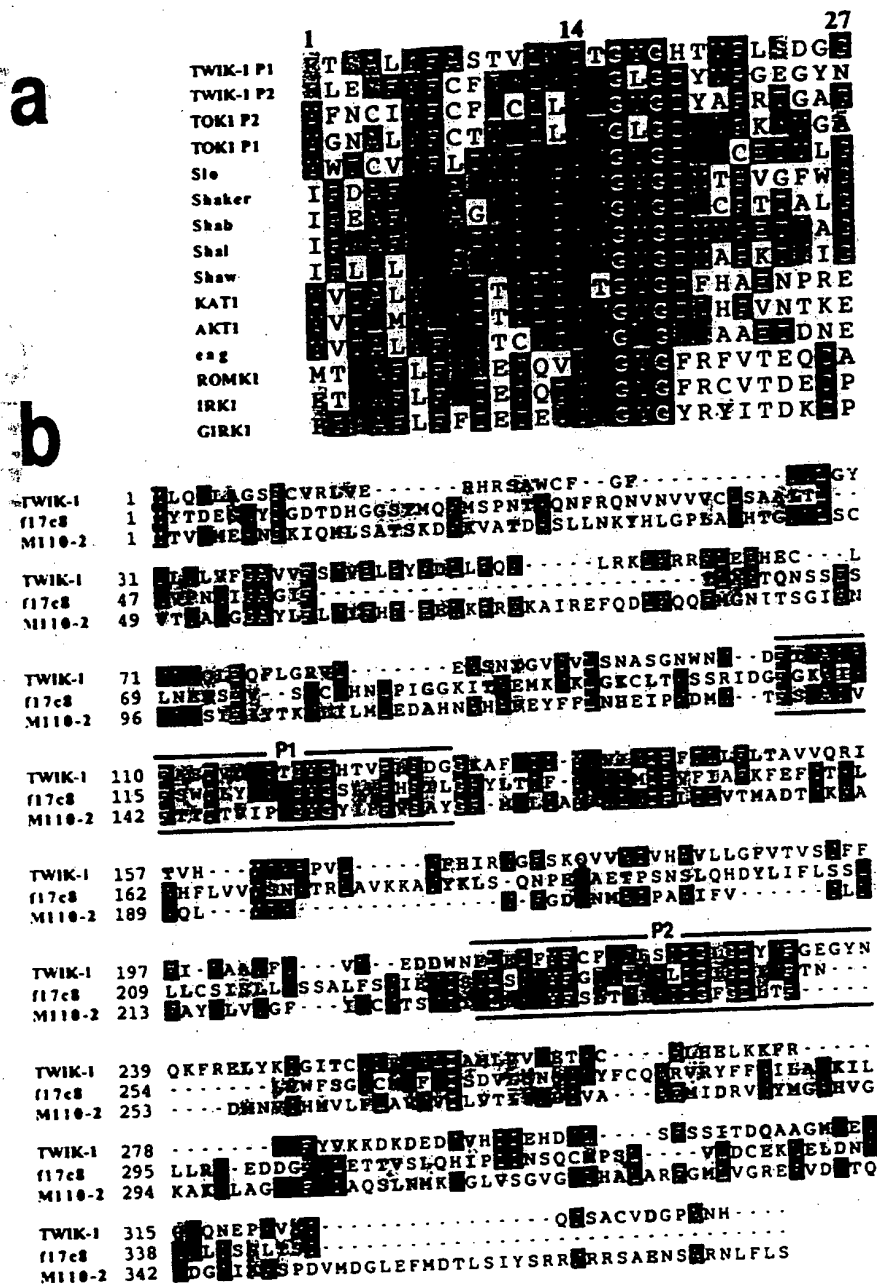
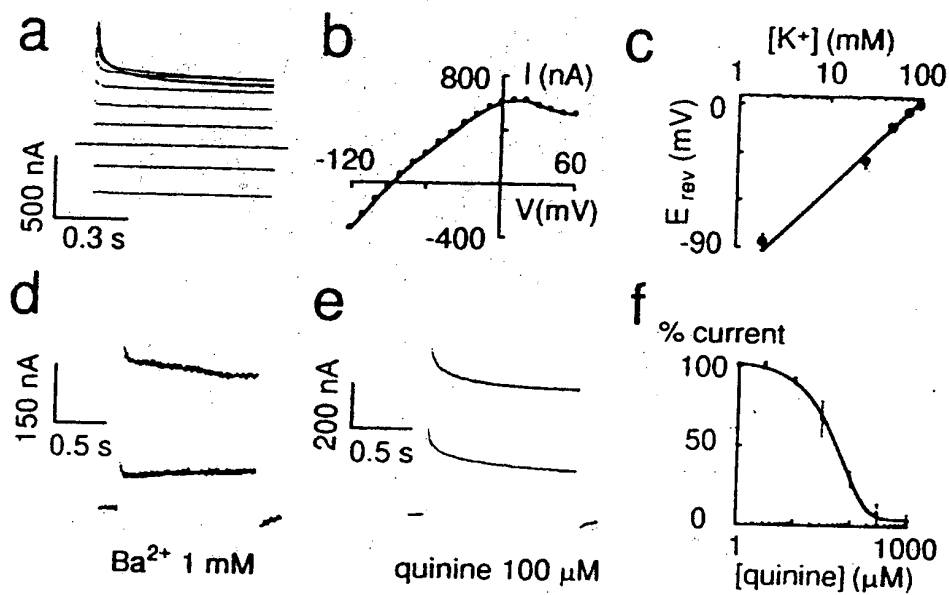


Fig. 3



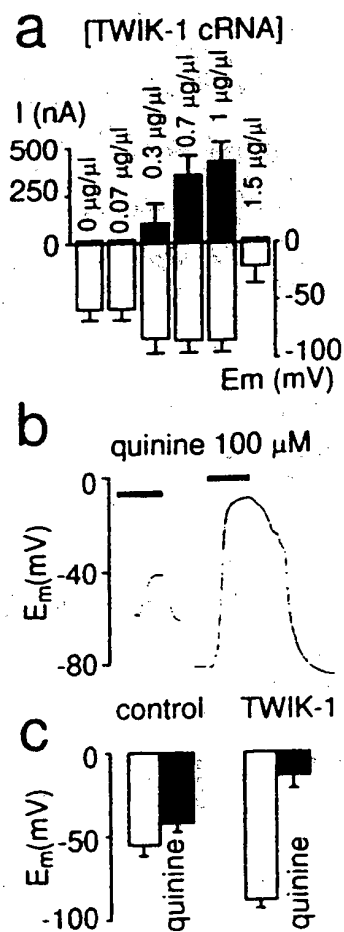
PL. 4/7Fig. 4

Fig. 5

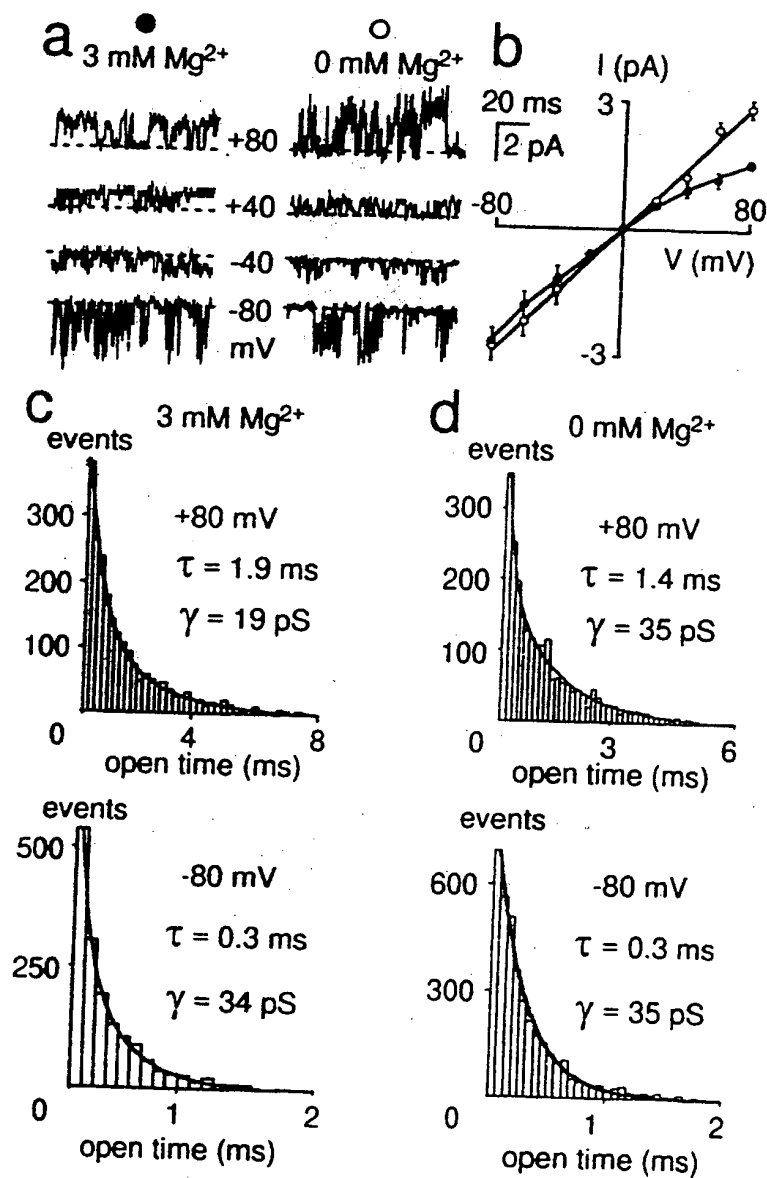


Fig. 6

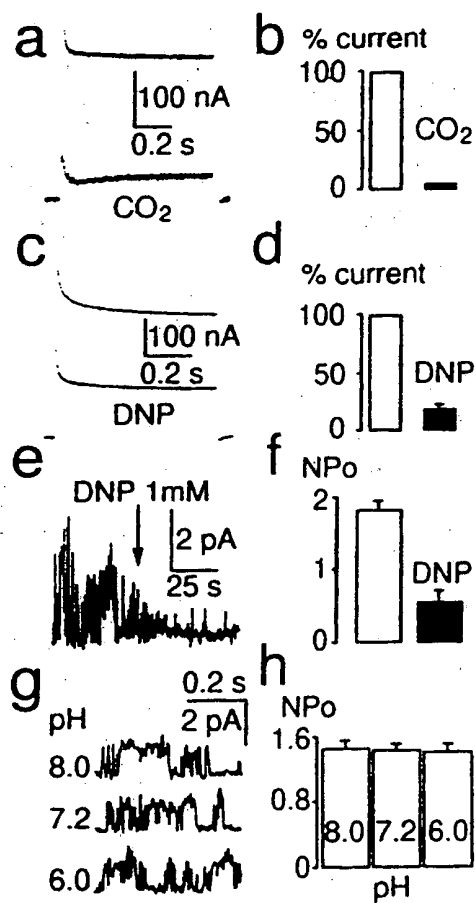
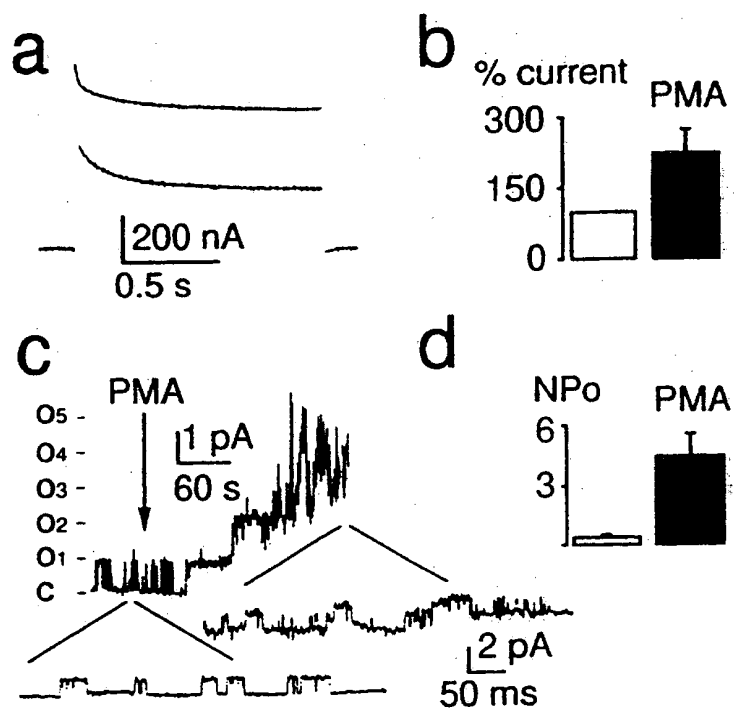


Fig. 7



RAPPORT DE RECHERCHE
PRELIMINAIRE

établi sur la base des dernières revendications
déposées avant le commencement de la recherche

N° d'enregistrement
national

FA 524384
FR 9601565

DOCUMENTS CONSIDERES COMME PERTINENTS		Revendications concernées de la demande examinée
Catégorie	Citation du document avec indication, en cas de besoin, des parties pertinentes	
A	NATURE, AUG 24 1995, 376 (6542) P690-5, ENGLAND, XP002017567 KETCHUM KA ET AL: "A new family of outwardly rectifying potassium channel proteins with two pore domains in tandem." * le document en entier *	1-8,11, 12
D,A	NATURE, SEP 15 1994, 371 (6494) P243-6, ENGLAND, XP002017568 LU Z ET AL: "Electrostatic tuning of Mg2+ affinity in an inward-rectifier K+ channel." * le document en entier *	1-8,11, 12
A	WO-A-95 21943 (OREGON STATE) 17 Août 1995 * revendications 1-40 *	1-14
A	WO-A-94 28131 (CALIFORNIA INST OF TECHN) 8 Décembre 1994 * revendications 1-38 *	1-14
T	EMBO (EUROPEAN MOLECULAR BIOLOGY ORGANIZATION) JOURNAL, 15 (5). 1996. 1004-1011., XP002017569 LESAGE F ET AL: "TWIK-1, a ubiquitous human weakly inward rectifying K+ channel with a novel structure" * le document en entier *	1-8,11, 12
T	GENOMICS, 34 (1). 1996. 153-155., XP000609245 LESAGE F ET AL: "Assignment of the human weak inward rectifier K+ channel TWIK-1 gene to chromosome 1q42-q43" * le document en entier *	1-8,11, 12
		DOMAINES TECHNIQUES RECHERCHES (Int.CL.6)
		C07K C12N
3	Date d'achèvement de la recherche 11 Novembre 1996	Examineur Gurdjian, D
<p>EPO FORM 150 (3.92) (P04C11)</p> <p>CATEGORIE DES DOCUMENTS CITES</p> <p>X : particulièrement pertinent à lui seul Y : particulièrement pertinent en combinaison avec un autre document de la même catégorie A : pertinent à l'encontre d'au moins une revendication ou arrière-plan technologique général O : divulgation non-écrite P : document intercalaire</p> <p>T : théorie ou principe à la base de l'invention E : document de brevet bénéficiant d'une date antérieure à la date de dépôt et qui n'a été publié qu'à cette date de dépôt ou qu'à une date postérieure. D : cité dans la demande L : cité pour d'autres raisons & : membre de la même famille, document correspondant</p>		

